

Wtorek

14:00 – 15:00 obiad

15:00 – 19:00 prezentacje i dyskusje

15:00 – 15:05 wstęp

15:05 – 15:35 Karolina Stępiak – stan analiz

15:35 – 16:05 Bartek Wojtaś – „Plan kolejnych eksperymentów wielkoskalowych oraz koncepcje analiz trzeciorzędowych na obecnych i przyszłych danych” (20 min prezentacji + 10 min dyskusji)

16:05 – 16:40 Ania Macioszek (20 min + 15 min)

16:40 – 17:00 przerwa kawowa

17:00 – 17:25 Ewa Szczurek (20 min + 5 min)

17:25 – 17:55 Magda Mozolewska (15 min + 15 min)

17:55 – 18:25 Bartek Wilczyński „Plany analiz uwzględniające dane Hi-C”

18:25 – 19:00 Dyskusja o planach

20:00 kolacja uroczysta

Środa

8:00 – 9:00 śniadanie

9:00 – 12:00 prezentacje i dyskusje

9:00 – 9:30 Mateusz Garbulowski (15 min + 15 min)

9:30 – 10:30 przegląd literatury:

- Karolina Stępiak – metody i sposoby walidacji danych
- Bartek Wojtaś – literatura glejakowa

10:30 - 11:00 przerwa kawowa

11:00 – 12:00 przegląd literatury c.d.

- Kuba Mieczkowski – analizy związane ze strukturą chromatyny i wariantami genetycznymi, ekspresją; lista repozytoriów/zbiorów danych do skorzystania w ramach grantu
- Ania Macioszek – metody do wykrywania wzbogaceń w danych NGS

12:00 – 13:00 obiad

13:00 – 14:30 prezentacje i dyskusje

13:00 – 13:30 Michał Dramiński (15 min + 15 min)

13:30 – 14:00 Michał Dąbrowski (15 min + 15 min)

14:00 – 15:30 przegląd literatury c.d.

- Michał Dąbrowski – integracja danych wielkoskalowych z akcentem na metylacje DNA

18:00 kolacja

Czwartek

9:00 – 10:00 śniadanie